

LABOKLIN GmbH & Co. KG · Steubenstraße 4 · 97688 Bad Kissingen

Ente Nazionale d. Cinofilia Ital.
V.le Corsica 20
20137 Milano
Italien

Risultato-num.:	2105-W-37967
Data di arrivo:	15.05.2021
Data di refertazione:	26.05.2021
Inizio lavorazione:	15.05.2021
Fine lavorazione:	26.05.2021

Specie:	Cane
Razza:	Labrador Retriever
Sesso:	Femmina
Nome:	Honeydark Haste Makes Waste Over Avonhyde
LOI/Pedigree:	LOI No. 2041049
Microchip:	380260101468657
Età / Data di nascita:	09.02.2020
Materiale:	Sangue in EDTA
Data:	10.05.2021
Campione prelevato da:	Dott. Toma Amilcare (338)
Proprietario:	Giunca, Salvatore
Codice paziente:	---

Mielopatia degenerativa (DM) esone 2 - PCR

Esito: Genotipo N/N (Esone 2)

Interpretazione: L'animale esaminato è omozigote nei confronti del gene sano. Non è portatore del fattore di alto rischio per DM nell'esone 2 del gene SOD1.

Ereditarietà: autosomica recessiva

Attenzione: nella razza Bovaro del Bernese collegata con la DM esiste anche la mutazione nell'esone 1 del gene SOD1.

Collasso indotto da sforzo (EIC) - PCR

Esito: Genotipo N/N

Interpretazione: L'animale esaminato è omozigote nei confronti del gene sano. Non è portatore della mutazione responsabile di EIC nel gene DNMT1.

Ereditarietà: autosomica recessiva

Il risultato è valido solo per le razze Boykin Spaniel, Cheseapeake Bay Retriever, Clumber Spaniel, Curly Coated Retriever, Drahthaar tedesco, Labrador Retriever, Old English Sheepdog e Pembroke Welsh Corgi.

Paracheratosi nasale ereditaria (HNPK) - PCR

Esito: Genotipo N/N

Interpretazione: L'animale esaminato è omozigote nei confronti del gene sano. Non è portatore della mutazione responsabile della paracheratosi nasale ereditaria (HNPK) nel gene SUV39H2.

Ereditarietà: autosomica recessiva

Una correlazione tra questa mutazione e la malattia è stata ad oggi descritta nelle seguenti razze: Labrador Retriever.

Nanismo (Skeletal Dysplasia 2) - PCR

Esito: Genotipo N/N

Interpretazione: L'animale esaminato è omozigote nei confronti del gene sano. Non è portatore della mutazione responsabile di SD2-nanismo nel gene COL11A2.

Ereditarietà: autosomica recessiva

Una correlazione tra questa mutazione e la malattia è stata ad oggi descritta nelle seguenti razze: Labrador Retriever.

Miopatia ereditaria (CNM) - PCR

Esito: Genotipo N/N

Interpretazione: L'animale esaminato è omozigote nei confronti del gene sano. Non è portatore della mutazione responsabile della Miopatia ereditaria (cnm) nel gene PTPLA.

Ereditarietà: autosomica recessiva

Una correlazione tra questa mutazione e la malattia è stata ad oggi descritta nelle seguenti razze: Labrador Retriever Questo test rileva la Miopatia centronucleare (cnm); altre forme di miopatia non vengono rilevate.

Atrofia retinica progressiva (prcd-PRA) (lab. partner) - PCR

Esito: Genotipo N/N (A)

Interpretazione: L'animale esaminato è omozigote nei confronti del gene sano. Non è portatore della mutazione responsabile della prcd-PRA nel gene PRCD.

Ereditarietà: autosomica recessiva

Una correlazione tra questa mutazione e la malattia è stata ad oggi descritta nelle seguenti razze: American Cocker Spaniel, American Eskimo Dog, Australian Cattle Dog, Australian Shepherd, Australian Stumpy Tail Cattle Dog, Barbet, Barbone, Bearded Collie, Bolognese, Bolonka Zwetna, Chesapeake Bay Retriever, Chihuahua, Chinese Crested, English Cocker Spaniel, English Shepherd, Entlebucher Mountain Dog, Finnish Lapphund, German Spitz, Golden Retriever, Jack Russell Terrier, Karelian Bear Dog, Kuvasz, Labrador Retriever, Lagotto Romagnolo, Lapponian Herder, Markiesje, Miniature American Shepherd, Norwegian Elkhound, Nova Scotia Duck Tolling Retriever, Parson Russell Terrier, Portugese Water Dog, Schipperke, Schnauzer gigante, Silky Terrier, Spanish Water Dog, Swedish Lapphound, Wäller, Yorkshire Terrier.

Displasia retinica (OSD)-laboratorio partner - PCR

Esito: Genotipo N/N

Interpretazione: L'animale esaminato è omozigote nei confronti del gene sano. Non è portatore della mutazione responsabile della OSD.

Ereditarietà: autosomica dominante

Una correlazione tra questa mutazione e la malattia è stata ad oggi descritta nelle seguenti razze: Labrador Retriever

Locus-E (Colore del mantello giallo) - PCR

Esito e1: Genotipo N/e1 (prima E/e)

Interpretazione: L'animale analizzato porta un allele e1 ed è quindi portatore eterozigote di questa variante.

Il genotipo complessivo del complesso del Locus E può essere determinato solamente dopo aver tenuto conto dei risultati dei test su tutti gli alleli fino ad ora conosciuti relativi al Locus E (e1, e2, e3, eA, eg, eh, EM). Si ricorda che alcuni alleli sono presenti solo in specifiche razze.

Attenzione: la nomenclatura dei risultati è stata modificata per armonizzare i referti dei test genetici.

Lunghezza del pelo l (corto/lungo) - PCR

Parametro	Risultato
HIHd1 SNP G284T:	L/L

Interpretazione:

Sono stati ricercati gli alleli L (pelo corto) e l (pelo lungo). Sequenza allelica: L è dominante su l

solo genotipi L/L: Il cane esaminato è omozigote nei confronti dell'allele L per il pelo corto.

un solo L/l: Il cane esaminato è eterozigote e porta sia l'allele L che l'allele l, trasmetterà alla progenie l'allele del pelo lungo con una probabilità del 50%.

più di un genotipo L/l: Il cane esaminato è in più di un locus genico eterozigote e porta sia l'allele L che l'allele l, può trasmettere alla progenie l'allele del pelo lungo.

almeno un genotipo l/l: Il cane esaminato è omozigote nei confronti dell'allele l per il pelo lungo.

Attenzione:

Nelle seguenti razze sono state rilevate ulteriori mutazioni responsabili del manifestarsi del pelo lungo: Afgano, Akita Inu, Alaskan Malamute, Bouledogue francese, Chow Chow, Eurasier, Husky, Prague Ratter, Shar Pei, Samoiedo. Non si può escludere che queste mutazioni siano presenti anche in altre razze.

Il mittente è responsabile per le corrette informazioni riguardanti il materiale inviato. Il laboratorio non ne è responsabile. Inoltre, ogni obbligo a risarcimenti è limitato al valore del test eseguito.

L'analisi è stata eseguita secondo le ultime conoscenze e tecnologie.

Il laboratorio è accreditato per l'esecuzione di questo test secondo DIN EN ISO/IEC 17025:2018 (fanno eccezione i test di laboratori partner)

Raccolta del campione:

La seguente persona super partes (veterinario, funzionario ufficiale o simili) avendo firmato il modulo di richiesta conferma l'identità dell'animale e di averne prelevato il campione.

Dott. Toma Amilcare (338)

Le scontistiche concesse agli appartenenti ai club di razza/all'ENCI sono state applicate agli esami aventi diritto!

Questi risultati fanno riferimento al campione inviato al laboratorio. Il campione risulta adatto per l'analisi, ove non sia stato fornito altro materiale. Il mittente è responsabile della correttezza delle informazioni sui campioni inviati. Questo referto può essere trasmesso solamente completo e inalterato. Per procedere in modo diverso è necessaria l'autorizzazione scritta da parte di Laboklin GmbH & Co. KG.



Fr.Dipl.-Biol. Bärbel Gunreben
Abt. Molekularbiologie

***** FINE del referto *****

PCR diagnostics for equine herpes virus

Due to the currently increased need for PCR tests for EHV1 and EHV4, we are performing this test for you up to 4 times a day. Results are usually available within 1-2 working days after arrival of the sample in the lab.